

Expression and Purification of a Recombinant Chimeric Protein (3M2e-HA2) Composed of Influenza Virus Hemagglutinin and Matrix Protein Conserved Domain for Universal Subunit Vaccine Development

Neda Jalili¹,
Najmeh Taheri²,
Rezvan Tavakoli³,
Fatemeh Fotoohi⁴,
Atieh Akbari¹,
Behrokh Farahmand⁵

¹ MSc in Genetic, Department of Influenza and other respiratory virus, Institute Pasteur of Iran, Tehran, Iran

² MSc in Molecular Cell Biology, Department of Influenza and other respiratory virus, Institute Pasteur of Iran, Tehran, Iran

³ MSc in Microbiology, Department of Influenza and other respiratory virus, Institute Pasteur of Iran, Tehran, Iran

⁴ Associate Professor, Department of Influenza and other respiratory virus, Institute Pasteur of Iran, Tehran, Iran

⁵ Assistant Professor, Department of Influenza and other respiratory virus, Institute Pasteur of Iran, Tehran, Iran

(Received August 12, 2015 ; Accepted February 21, 2016)

Abstract

Background and purpose: Influenza virus is one of the most important respiratory infectious agents. Viral antigenic variations are major problems for vaccine production process. At present, many researches have focused on conserved domains of influenza virus antigenic peptides for subunit vaccine development. Hemagglutinin small subunit (HA2) and the 23 amino acid extracellular N-terminal domain of proton selective ion channel (M2e) are highly conserved in all human influenza A strains and very attractive for broad-spectrum universal influenza vaccine production.

Materials and methods: In this study, the synthetic 3M2e gene was cloned upstream of HA2 gene following digestion by BamH1. Chimeric construct pET28a-3M2e-HA2 was transformed into *E.coli* (BL21) and the cells were grown overnight in LB broth media containing 50 mg/ml kanamycin after induction of isopropyl-beta-D-thiogalactopyranoside (IPTG). Expression of chimer protein 3M2e-HA2 was approved by sodiumdodecyl sulfate polyacrylamide gel electrophoresis (SDS-PAGE) and western blot analysis using monoclonal specific antibody. Then, the recombinant protein was purified using Ni-TED columns.

Results: The result of colony PCR, restriction enzyme digestion and sequencing revealed that the 3M2e gene was properly cloned into pET28a- HA2 and was in frame to histidin tag.

Conclusion: Identification of antibodies against conserved epitopes of (HA2) and (M2e) is an important step toward development of influenza vaccine, hence, chimer protein (3M2e-HA2) prepared in this study could be an appropriate subunit vaccine candidate for preventing influenza virus infection.

Keywords: Influenza, M2e, Hemagglutinin, chimer, subunit vaccine

J Mazandaran Univ Med Sci 2016; 26(137): 12-22 (Persian).

بیان و خالص سازی پروتئین کایمر نو ترکیب (3M2e-HA2) واجد نواحی حفاظت شده هماگلوتینین و پروتئین ماتریکس و ویروس آنفلوانزا در راستای تولید واکسن زیرواحدی جهانی

ندا جلیلی^۱، نجمه طاهری^۲، رضوان توکلی^۳، فاطمه فتوحی^۴، عطیه اکبری^۱، بهرخ فرهمند^۵

چکیده

سابقه و هدف: ویروس آنفلوانزا یکی از مهم ترین عوامل عفونی در سراسر جهان است که تغییرات آنتی ژنیک آن چالش بزرگی در مسیر تولید واکسن می باشد. در حال حاضر اکثر پژوهش ها بر روی توسعه واکسن های زیرواحدی حاصل از پپتیدهای آنتی ژنیک حفاظت شده ویروس متمرکز شده است. زیر واحد کوچک مولکول هماگلوتینین (HA2) و بخش آمینی خارج سلولی پروتئین کانال یونی (M2e) با ۲۳ اسید آمینه، در همه ویروس های آنفلوانزای A انسانی بسیار حفاظت شده هستند و هدف مناسبی برای تولید واکسن آنفلوانزای وسیع الطیف می باشند.

مواد و روش ها: در این پژوهش، قطعه ژنی 3M2e سنتتیک، بالا دست ژن HA2 در سازه pET28a-HA2 پس از هضم آنزیمی با آنزیم BamH1، کلون شد. سازه واجد کایمر 3M2e-HA2 به باکتری *E. coli* سویه BL21 منتقل شد و سلول ها در محیط مایع LB حاوی کانامایسین (۵۰ mg/ml) بعد از القا با ایزوپروپیل بتا دی تیو گالاکتوزید (IPTG) به صورت کشت شبانه رشد داده شد. بررسی و تایید بیان سازه 3M2e-HA2 به وسیله الکتروفورز روی ژل پلی آکریل آمید SDS-PAGE و وسترن بلات با استفاده از آنتی بادی های مونوکلونال اختصاصی انجام شد و سپس پروتئین نو ترکیب توسط ستون Ni-TED تخلیص گردید.

یافته ها: نتایج کلونی PCR و هضم آنزیمی و تعیین توالی نشان داد که ژن 3M2e در وکتور pET28a-HA2 به طور صحیح و در قاب خواندنی دنبال هیستیدینی کلون شده است.

استنتاج: شناسایی آنتی بادی علیه اپی توپ های حفاظت شده HA2 و M2e، گامی مهم به سوی ساخت واکسن جهانی ویروس آنفلوانزا است، بنابراین سازه (3M2e-HA2) تهیه شده در این مطالعه می تواند کاندید واکسن زیر واحدی مناسبی برای پیشگیری از این عفونت باشد.

واژه های کلیدی: ویروس آنفلوانزا، کایمر 3M2e-HA2، واکسن زیر واحدی

مقدمه

آنفلوانزا یک بیماری تنفسی جدی است که معمولاً انسان را در فصول سرد درگیر می سازد و سالیانه هزینه هنگفتی را به جوامع تحمیل می کند. ویروس آنفلوانزا عامل میلیون ها مرگ در سراسر جهان می باشد. در کشور ما هم

E-mail: b_farahmand@pasteur.ac.ir

مؤلف مسئول: بهرخ فرهمند - تهران: انستیتو پاستور ایران، بخش آنفلوانزا و سایر ویروس های تنفسی

۱. کارشناس ارشد ژنتیک، گروه آنفلوانزا و سایر ویروس های تنفسی، انستیتو پاستور ایران، تهران، ایران
۲. کارشناس ارشد سلولی مولکولی، گروه آنفلوانزا و سایر ویروس های تنفسی، انستیتو پاستور ایران، تهران، ایران
۳. کارشناس ارشد میکروب شناسی، گروه آنفلوانزا و سایر ویروس های تنفسی، انستیتو پاستور ایران، تهران، ایران
۴. استاد، گروه آنفلوانزا و سایر ویروس های تنفسی، انستیتو پاستور ایران، تهران، ایران
۵. استادیار، گروه آنفلوانزا و سایر ویروس های تنفسی، انستیتو پاستور ایران، تهران، ایران

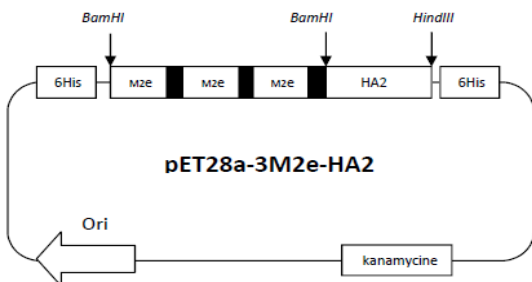
تاریخ دریافت: ۱۳۹۴/۵/۲۱ تاریخ ارجاع جهت اصلاحات: ۱۳۹۴/۶/۸ تاریخ تصویب: ۱۳۹۴/۱۲/۳

در سال‌های گذشته و همچنین اپیدمی سال ۱۳۹۴، مواردی از مرگ را در افراد با بیماری‌های زمینه‌ای به دنبال داشته است. عامل مولد این بیماری ویروسی کروی و پوشش دار از خانواده ارتومیکسووریده می‌باشد که به سه تیپ A، B و C تقسیم می‌شوند. ویروس آنفلوانزا نوع A دارای ۸ قطعه ژن می‌باشد که پروتئین‌های سطحی هماگلوتینین (HA) و نورامینیداز (NA)، پروتئین‌های ماتریکس (M1, M2)، نوکلئوپروتئین (NP)، کمپلکس پلیمرازی (PB1, PB2, PA) و دو پروتئین غیرساختاری (NS1, NS2) را کد می‌کنند. RNA پلیمراز ویروسی مستعد خطا، و ژنوم قطعه‌ای، ویروس آنفلوانزا را قادر می‌سازد تا متحمل تغییرات آنتی‌ژنی از نوع antigenic drift و antigenic shift شود که موجب تغییرات آنتی‌ژنی در گلیکوپروتئین‌های سطحی ویروس شده و باعث می‌شود ویروس بتواند از سیستم ایمنی میزبان بگریزد. این ویروس‌ها به علت تغییرات مکرر آنتی‌ژنی که در HA و NA رخ می‌دهد، در برابر آنتی‌بادی‌های تولید شده علیه ویروس‌های قبل مقاوم می‌شوند. تغییر ماهیت ویروس آنفلوانزا باعث شده مراکز تحقیقات مختلف به تعریف پروژدهایی در زمینه پیشگیری، تشخیص و درمان آن بپردازند، ولی هنوز واکسنی با ایمنی بلند مدت علیه ویروس‌های آنفلوانزا تهیه نگردیده است (۱). آنتی‌ژن HA هدف اصلی برای تهیه واکسن علیه این بیماری محسوب می‌گردد که توسط آنتی‌بادی‌ها قابل شناسایی و تشخیص می‌باشد. این گلیکوپروتئین سطحی، به دو زیر واحد HA1 و HA2 شکسته می‌شود که این دو به وسیله پیوند دی سولفیدی به همدیگر متصل هستند و شکسته شدن برای عفونت‌زایی ذره ویروسی و گسترش عفونت در ارگانسیم میزبان ضروری است (۲، ۳). زیر واحد HA1 که در انتهای آمینی مولکول HA قرار دارد، دارای یک سر کروی است که شامل جایگاه‌های گیرنده‌ای است که به عنوان سایت‌های آنتی‌ژنی ویروس شناخته شده‌اند. آنتی‌بادی‌های خنثی کننده از اتصال ویروس به سلول میزبان جلوگیری

می‌کنند، ولی ویروس‌ها با جهش در این سایت‌های آنتی‌ژنی از خنثی‌سازی به وسیله آنتی‌بادی‌های موجود در میزبان جلوگیری می‌کنند که منجر به شیوع آنفلوانزای فصلی می‌شود. با وجود تغییرات آنتی‌ژنی مستمر در مولکول هماگلوتینین، اپی توپ‌هایی از آن در نژادهای مختلف ویروسی مشترک هستند که تعداد این اپی توپ‌ها در زیر واحد HA2 نسبت به HA1 بیش‌تر بوده و در نتیجه این قسمت می‌تواند عامل القای ایمنی ذاتی علیه زیرگونه‌های گوناگون ویروس باشد (۷-۴).

HA2 بخش انتهایی کربوکسیل از HA است که به شکل یک ساختار ساقه مانند می‌باشد. بخش انتهایی آمینی HA2 موسوم به پپتید الحاقی، نقش قابل توجهی در فعالیت‌های ادغام ویروس آنفلوانزا در سلول میزبان دارد که این توالی آمینواسیدی در واقع جزئی از ناحیه حفاظت شده ارتباط دهنده‌ی دو زیر واحد HA1 و HA2 از مولکول HA محسوب می‌گردد که توسط گروه‌های مطالعاتی مختلفی مورد بررسی قرار گرفته است (۴-۱۰، ۸). محققین دریافتند که موش‌های واکسینه شده با این بخش‌های آنتی‌ژنی، بیماری خفیف‌تر و مرگ و میر کم‌تری بر اثر چالش با ویروس نشان داده‌اند (۱۰، ۱۱). پروتئین M2 ویروس آنفلوانزا، یک هموترامر است که به عنوان کانال یونی در داخل غشا ویروس قرار گرفته است. هنگامی که ویروس به سلول میزبان وارد می‌شود، این کانال در آزاد شدن ژنوم ویروس به داخل سیتوپلاسم سلول میزبان نقش مهمی دارد (۱۲). در این میان به توالی ۲۳ آمینواسیدی انتهایی آمینی مولکول M2e توجه بسیاری شده است. این ناحیه در تمامی سویه‌های آنفلوانزا A به میزان زیادی ثابت بوده و دچار موتاسیون‌های شیفت و دریفتم نمی‌گردد؛ بنابراین یک کاندید مناسب برای تهیه واکسن‌های کارآمد علیه ویروس آنفلوانزا A می‌باشد (۱۳). این آنتی‌ژن به تنهایی قدرت ایمنی‌زایی بسیار کمی دارد. در بسیاری از تحقیقات، DNA واکسن‌ها و واکسن‌های کوژوگه با استفاده از پروتئین M2، مورد بررسی قرار گرفته است. در این

تکثیر، محصول الحاق در باکتری *E. coli* سویه Top10 F⁺ ترانسفورم گردید. باکتری‌های ترانسفورم شده در محیط کشت LB آگار حاوی آنتی‌بیوتیک تتراسایکلین و کانامایسین (با غلظت ۵۰ میلی‌گرم در میلی‌لیتر) به صورت شبانه کشت داده شدند. جهت تایید کلونینگ، پس از انجام کلنی PCR، ابتدا یک کلنی از کشت کلنی‌های مثبت برداشته و در محیط LB مایع، تکثیر و پلاسمید نوترکیب با استفاده از کیت Miniprep (ساخت شرکت BIONEER) استخراج گردید. سپس برای هضم آنزیمی، پلاسمید نوترکیب pET28a-3M2e-HA2 تخلیص شده با آنزیم‌های BamHI و HindIII برش داده شد تا قطعه‌های مورد نظر (HA2 و 3M2e) از آن خارج گردد و جهت تایید نهایی پلاسمید نوترکیب pET28a-3M2e-HA2 با استفاده از پرایمرهای T7 پروموتور و T7 ترمیناتور و کتور pET تعیین توالی شد.



تصویر شماره ۱: تصویر شماتیک سازه کایمریک pET28a-3M2e-HA2. لینکر آمینوآسیدی GGKGG بین توالی‌های 3M2e قرار داده شده است

بیان سازه 3M2e-HA2

جهت بیان سازه 3M2e-HA2، پلاسمید نوترکیب pET28a-3M2e-HA2 به داخل باکتری‌های مستعد شده *E. coli* سویه BL21 ترانسفورم شد و سپس در محیط LB مایع حاوی آنتی‌بیوتیک کانامایسین تلقیح گردید و در دمای ۳۷ درجه سانتی‌گراد در انکوباتور شیکردار قرار داده شد تا زمانی که جذب نوری آن در ۶۰۰ نانومتر به ۰/۶ برسد. سپس تولید پروتئین، با استفاده از ایزوپروپیل تیو گالاتوزید (IPTG) با غلظت یک میلی‌مولار به سوسپانسیون باکتری القا گردید و در زمان‌های ۱، ۲، ۳

مطالعات مشخص شده است که پروتئین M2 به تنهایی قادر به ایجاد آنتی‌بادی‌های خنثی‌کننده نیست (۱۴). یکی از روش‌های نوین تولید واکسن آنفلوانزا، استفاده از واکسن‌های نوترکیب الحاق شده با پروتئین‌هایی که ایمنی‌زایی زیادی دارند و یا استفاده از تعداد کپی‌های متفاوت اپی‌توپ M2e می‌باشد. بنابراین در این پژوهش به منظور دست‌یابی به یک آنتی‌ژن مناسب، سازه 3M2e طراحی شده در پژوهش‌های قبلی (بخش آنفلوانزا انستیتو پاستور) به زیر واحد HA2 متصل گردید و پروتئین کایمر تولید شده پس از تایید، تخلیص گردید.

مواد و روش‌ها

در این پژوهش، از ژن زیر واحد کوچک هم‌گلوکوتینین (HA2) ویروس آنفلوانزای A/H1N1 که قبلاً در آزمایشگاه تحقیقات آنفلوانزای انستیتو پاستور ایران در وکتور pET28a کلون شده بود و ژن سنتتیک 3M2e طراحی شده و کلون شده در وکتور pUC 57 در این آزمایشگاه استفاده شد و بررسی‌های انفورماتیکی انجام شده با نرم افزار ExPASy prort param، بر روی خواص فیزیکوشیمیایی این مولکول کایمر که برای انجام مراحل ارزیابی کمی و کیفی و تخلیص آن مورد نیاز بود، مراحل کلونینگ و بیان آن طبق توضیحات زیر اجرا شد.

جای سازی ژن 3M2e در وکتور نوترکیب pET28a-HA2

بدین منظور جهت جداسازی ژن 3M2e از وکتور PUC 57 و خطی شدن وکتور نوترکیب pET28a-HA2 هضم آنزیمی با استفاده از آنزیم BamHI که در دو سر قطعه 3M2e تعبیه شده است، صورت گرفت. به منظور ساخت سازه کایمریک (تصویر شماره ۱)، عمل الحاق ژن 3M2e و وکتور نوترکیب pET28a-HA2 خطی شده، با استفاده از آنزیم لیگاز صورت گرفت. بدین منظور وکتور خطی شده و ژن 3M2e به نسبت‌های مولی متفاوت در کنار آنزیم لیگاز به مدت یک شب در دمای ۴ درجه سانتی‌گراد انکوبه گردید. سپس به منظور

و ۴ ساعت پس از القا، میزان رشد باکتری‌ها از طریق اندازه‌گیری میزان جذب با دستگاه اسپکتروفوتومتر ارزیابی و رسوب باکتریایی با ۳ دقیقه سانتریفیوژ در ۹۰۰۰ دور در دقیقه و در دمای ۴ درجه سانتی‌گراد جدا گردید.

بررسی بیان سازه 3M2e-HA2 با روش SDS-PAGE

در این قسمت از مطالعه، جهت بررسی بیان سازه، از الکتروفورز SDS-PAGE به روش Lameli et al استفاده گردید (۱۵). برای این منظور رسوب باکتری‌ها که در ساعت‌های مختلف تهیه شده بود، با بافر نمونه (sample buffer) مخلوط گردید تا لیز شوند. بدین صورت که غلظت نمونه‌ها بر حسب نانوگرم به میکرولیتر از طریق نرمالیزاسیون محاسبه گردید. بافر نمونه به صورت ۵x تهیه شد، (به این ترتیب که ۳ گرم پودر تریس در ۳۰ میلی‌لیتر آب مقطر حل شده پس از آن که pH آن به ۶/۸ رسید، ۵ گرم SDS به محلول فوق اضافه شد). سپس ۵۰ میلی‌لیتر گلیسرول به صورت قطره قطره و هم‌چنین ۰/۳ گرم بر موفنول بلو نیز در چند مرحله به محلول افزوده و حجم نهایی به ۱۰۰ میلی‌لیتر رسانده شد. جهت باز شدن پیوندهای دی‌سولفیدی به ازای هر میلی‌لیتر بافر، ۲۰ میکرولیتر ۲-مرکاپتو اتانول افزوده شد. نمونه‌ها پس از آماده‌سازی بر روی ژل ۱۲ درصد پلی‌آکریل آمید طبق پروتکل استاندارد، الکتروفورز شد و باندهای پروتئینی با رنگ آمیزی با محلول کوماسی بلو، آشکار گردید.

تائید پروتئین بیان شده با روش وسترن بلات

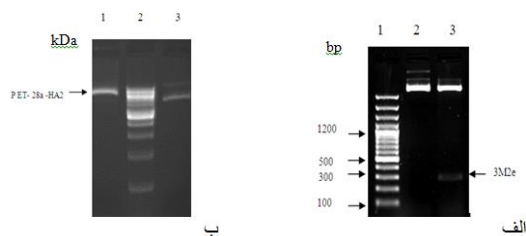
پروتئین‌های تفکیک شده بر روی ژل ۱۲ درصد پلی‌آکریل آمید، با استفاده از دستگاه الکتروترانسفر به روی غشا نیتروسولوز منتقل شد. بیان سازه 3M2e-HA2 در باکتری بیانی BL21 با استفاده از آنتی‌بادی مونوکلونال موشی علیه پروتئین M2 با کد abcam.co (ab5416) به عنوان آنتی‌بادی اولیه با نسبت ۱ به ۵۰۰ در PBS و آنتی‌بادی نشاندار شده با پراکسیداز علیه آنتی‌بادی موش با کد Sigma.co (A 8924) به عنوان

آنتی‌بادی ثانویه با نسبت ۱ به ۵۰۰۰ در PBS از سوسترای دی آمینو بنزیدین (DAB) جهت رنگ آمیزی باندهای پروتئینی، مورد بررسی قرار گرفت. هم‌چنین از آنتی‌بادی ضد هیستیدین نشاندار نیز برای آشکارسازی پروتئین کایمر واجد دنباله هیستیدینی استفاده شد.

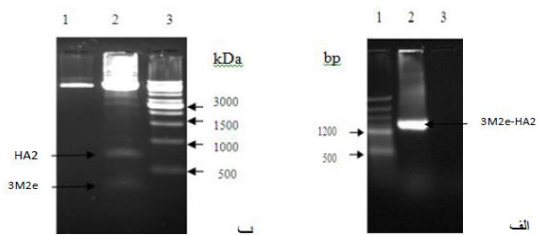
استخراج و تخلیص پروتئین نوترکیب

برای تولید پروتئین کایمر 3M2e-HA2، از کشت شبانه باکتری *E. coli* سویه BL21 (DE3) برای تلقیح ۲۵۰ میلی‌لیتر محیط تازه LB استفاده گردید و با IPTG ۱ میلی‌مولار القا و به مدت ۳ ساعت در ۳۷ درجه سانتی‌گراد نگهداری شد. سپس سلول‌ها با سانتریفیوژ در دور ۹۰۰۰ جمع‌آوری شدند و روی رسوب حاصل، ۱۰ میلی‌لیتر بافر لیزکننده ریخته شد و پیتاژ گردید. بافر فوق واجد ۵۰ میلی‌مولار سدیم فسفات و ۳۰۰ میلی‌مولار کلرید سدیم است و به اختصار LEW (lysis equilibration wash) نامیده می‌شود. سوسپانسیون حاصل ۳ بار در تانک نیتروژن مایع فریز و در آب ۳۷ درجه ذوب گردید و بعد ۹ بار و هر بار به مدت ۲۰ ثانیه با توان ۸۰ وات سونیکه شد. بعد از هر ۲۰ ثانیه، سوسپانسیون به مدت ۱ دقیقه در آب یخ داشته شد و بعد با دور ۱۰۰۰ و به مدت ۲۰ دقیقه سانتریفیوژ گردید و مایع رویی از رسوب جدا شد. سپس روی رسوب حاصل ۴ میلی‌لیتر بافر LEW حاوی اوره ۸ مولار اضافه گردید و همانند مراحل بالا، سونیکاسیون انجام شد و در نهایت مایع رویی حاصل از مرحله نهایی سانتریفیوژ که حاوی پروتئین نوترکیب 3M2e-HA2 بود، جهت تخلیص با ستون نیکل جمع‌آوری شد. تخلیص پروتئین نوترکیب 3M2e-HA2 با استفاده از ستون protino® Ni-TED 2000 packed (MACHERY-NAGEL) انجام گرفت. بدین صورت که نمونه‌های آماده شده حاصل از استخراج به ستون اضافه شدند. سپس در ادامه ستون با ۱۲ میلی‌لیتر بافر شستشو دهنده شسته شد و در نهایت با ۲ میلی‌لیتر

کلون شده است. هم‌چنین تعیین توالی سازه 3M2e-HA2 تأیید کرد که دو ژن 3M2e و HA2 به یکدیگر متصل شده و در فریم مناسب در ناحیه MCS و کتور pET28a کلون گردیده اند. نتایج حاصل از بررسی بیان کایمر ساخته شده روی ژل پلی آکریل آمید، بیان یک پروتئین در محدوده وزنی ۳۵ تا ۴۸ کیلو دالتونی را نشان می‌دهد که با وزن مولکولی حدود ۴۰ کیلو دالتون پیش‌بینی شده کایمر، هم‌خوانی دارد (تصویر شماره ۴). نتایج حاصل از بررسی تایید بیان کایمر توسط آنالیز وسترن بلائینگ با آنتی‌بادی مونوکلونال ضد هیستیدین (تصویر شماره ۵ الف) و نتایج حاصل از بررسی با آنتی‌بادی مونوکلونال موشی ضد پروتئین M2 در (تصویر شماره ۵ ب) نشان داده شده است که هر دو نتایج، تایید کننده بیان کایمر است و هم‌چنین نتیجه بررسی الکتروفورزی تخلیص پروتئین کایمر 3M2e-HA2، حاکی از غلظت قابل توجه این پروتئین پالایش شده از سایر پروتئین‌های باکتری می‌باشد (تصویر شماره ۶).



تصویر شماره ۲: (الف) الکتروفورز حاصل از هضم آنزیمی و کتور pUC-3M2e. ستون ۱: مارکر DNA 100bp (Fermentas). ستون ۲: نمونه هضم نشده. ستون ۳: نمونه هضم شده با آنزیم BamHI. (ب): الکتروفورز حاصل از خطی شدن و کتور نو ترکیب pET-28a/HA2. ستون ۱: وکتور نو ترکیب خطی شده با آنزیم BamHI. ستون ۲: مارکر DNA 1Kb (vivantis). ستون ۳: نمونه هضم نشده



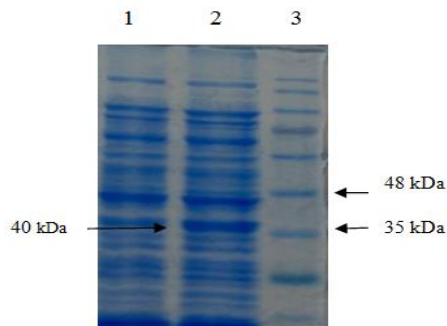
تصویر شماره ۳: (الف) نتیجه کلنی PCR که از روی کلنی‌های ماتریکس گذاشته شده است. ستون ۱: مارکر DNA 100 bp (Fermentas).

Eluting buffer (LEW+Im) که حاوی ۲۵۰ میلی‌مولار ایمیدازول بود، شسته شد تا پروتئین مورد نظر خارج شود. در پایان، خروجی‌های ستون در مراحل مختلف، به کمک ژل SDS-PAGE ۱۲ درصد بررسی گردید. سرانجام برای حذف ایمیدازول، محلول پروتئینی در برابر بافر فسفات نمکی (pH/۵) دیالیز شد.

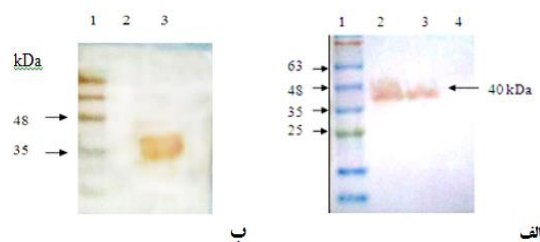
یافته‌ها

نتایج آنالیز انفورماتیکی خواص فیزیکوشیمیایی کایمر 3M2e-HA2 در Expasy protparam نشان داد که این کایمر با ۳۶۱ اسید آمینه دارای pH اسیدی و وزن مولکولی حدود ۳۹۶۰۴/۶ دالتون و هم‌چنین pH ایزوالکتریک ۵/۸۲ است و پیش‌بینی شد که پروتئین مورد نظر پس از بیان محلول می‌باشد. با توجه به نتایج مربوط به نیمه عمر پروتئین مورد نظر در مدل انسانی، این کایمر می‌تواند برای واکنش انسانی کاندید مناسبی باشد. هم‌چنین بررسی‌ها روی شاخص ناپایداری نشان داد که می‌توان این کایمر را به عنوان پروتئین پایدار در نظر گرفت. سازه‌های pUC 57-3M2e و HA2-3M2e پس از ازدیاد و تخلیص با هدف کلون کردن ژن 3M2e در پایین دست قطعه HA2 توسط آنزیم BamHI برش داده شدند. قطعات مورد انتظار، برحسب اندازه در ژل‌های آگارز ۱-۲ درصد الکتروفورز گردیدند. مطابق (تصویر شماره ۲ الف)، ژن سنتز شده 3M2e (۲۷۰ bp) از سازه pUC 57/3M2e جدا شد و سازه pET28a-HA2 خطی گردید (تصویر شماره ۲ ب). سپس جهت اطمینان از کلون شدن قطعه 3M2e در پلاسمید نو ترکیب pET28a-HA2 از هضم آنزیمی و PCR استفاده شد. نتایج به دست آمده از کلونی PCR پلاسمیدهای حاوی سازه (تصویر شماره ۳ الف) و هضم آنزیمی با آنزیم‌های (BamHI و Hind III) که منجر به جداسازی یک قطعه ۲۷۰ جفت‌بازی 3M2e و یک قطعه ۷۰۰ جفت‌بازی HA2 از پلاسمید شد (تصویر شماره ۳ ب)، نشان داد که این ژن در ناقل پلاسمیدی

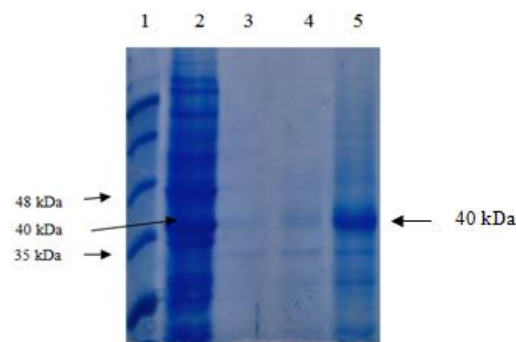
ستون ۲: نمونه PCR. ستون ۳: کنترل منفی. (ب): نتیجه ی هضم آنزیمی پلاسمید نو ترکیب با دو آنزیم BamHI و HindIII. ستون ۱: نمونه هضم نشده. ستون ۲: نمونه هضم شده. ستون ۳: مارکر DNA (vivantis) 1kb



تصویر شماره ۴: نمایی از الکتروفورز عمودی در دمای ۳۷ درجه سانتی گراد، غلظت ۱ میلی مولار IPTG در ساعت سوم. ستون ۱: نمونه قبل از القا (ساعت صفر). ستون ۲: نمونه ساعت سوم بعد از القا. ستون ۳: مارکر پروتئین (vivantis)



تصویر شماره ۵: (الف) نمایی از آزمایش وسترن بلا تیگ بیان سازه پروتئین 1kb (Fermentase). ستون ۲ و ۳: رسوب پروتئینی ۳ ساعت بعد از القا. ستون ۴: نمونه قبل از القا (شاهد منفی). (ب) نمایی از آزمایش وسترن بلا تیگ بیان سازه 3M2e-HA2 با استفاده از آنتی بادی موشی ضد پروتئین 1kb (Fermentase). ستون ۲: نمونه قبل از القا (شاهد منفی). ستون ۳: رسوب پروتئینی ۳ ساعت بعد از القا.



تصویر شماره ۶: نتایج تخلیص پروتئین کایمر (3M2e-HA2) بر روی

ژل پلی آکریل آمید رنگ آمیزی شده با کوماسی بلو. ستون ۱: مارکر مولکولی پروتئین (vivantis). ستون ۲: لیزات باکتری واجد پروتئین نو ترکیب. ستون ۳ و ۴: نمونه های حاصل از شستشوی ستون با بافر (LEW+Urea). ستون ۵: پروتئین (3M2e-HA2) تخلیص شده با بافر (LEW+Urea+Im).

بحث

جهت جلوگیری از وقوع پاندمی، واکنس آنفلوانزا یکی از بهترین راه های ایمن کردن جمعیت انسانی در مقابل این ویروس می باشد. واکنس های آنفلوانزایی که امروزه تولید و مصرف می شوند، عمدتاً از طریق تلقیح ویروس آنفلوانزا به تخم مرغ جنین دار تهیه می شوند. کارایی این واکنس ها در بهترین شرایط، کم تر از ۷۵ درصد می باشد و با توجه به تغییرات مکرر آنتی ژنیک ویروس، هر ساله می بایست تجدید شوند تا بیش ترین شباهت را با سویه های در گردش داشته باشند. در سال های اخیر توجه محققین به تولید واکنس های زیرواحدی نو ترکیب با استفاده از ژن های حفاظت شده ویروس معطوف شده است تا بتوانند واکنسی تولید کنند که فرمولاسیون ثابتی داشته و نیاز به تجدید هر ساله نداشته باشد واکنس های زیر واحدی از نظر محتوی، واجد یک یا چند آنتی ژن پروتئینی خالص و افزودنی های مجاز می باشند و فاقد بیماری زایی بوده و به عنوان واکنس های بی خطر، مؤثر و پایدار از نظر آنتی ژنیک به شمار می آیند که باعث به وجود آمدن پاسخ ایمنی سلولی و همورال مؤثر، مناسب و طولانی مدت می شوند، در عین حال فرآیند تولید آن ها از نظر اقتصادی نیز مقرون به صرفه است (۱۶). با توجه به آزمایش ها و مطالعات انجام شده، ناحیه خارج سلولی پروتئین ماتریکس (M2e) آنفلوانزا یک کاندید مناسب برای تهیه واکنس علیه ویروس آنفلوانزا می باشد، اما از آن جا که سایز کوچکی دارد و موجب ایمنی زایی مختصری می شود، برای بهبود ایمنی زایی آن، روش های گوناگونی به کار گرفته شده تا موفق به تولید بهترین موثرترین واکنس علیه این ویروس گردند. از جمله این که در پژوهش های اخیر، پروتئین M2e آنفلوانزا با

کنار ادجوانت‌های مختلف در موش Balb/c ارزیابی نمودند (۲۸-۲۶). در این پژوهش، کایمر 3M2e-HA2 به منظور دست‌یابی به یک کاندیدای واکنش‌نوترکیب وسیع‌الطیف علیه ویروس‌های آنفلوانزای تیپ A تهیه شد. با توجه به عدم نیاز هر دو پروتئین M2e و HA2 به تغییرات پس از ترجمه (گلیکوزیلاسیون، استیلاسیون و...) و سادگی بیان و خالص‌سازی آنتی‌ژن پروتئینی، از سیستم بیانی پروکاریوتی برای تولید پروتئین نوترکیب استفاده شد. بدین‌منظور قطعه 3M2e در وکتور pET28a در بالا دست HA2 کلون شد.

در قسمت طراحی سازه این‌گونه عمل شد که دنباله هیستیدینی در دو سر پروتئین قرار گیرد تا بتوانیم از روش تخلیص با استفاده از ستون تجاری شده Ni-TED به‌طور سریع پروتئین را جداسازی کنیم. در این تکنیک کروماتوگرافی، یون‌های نیکل به یک بستر رزینی متصل می‌گردند و برای اتصال پروتئین‌ها با برچسب هیستیدینی به کار می‌روند که این رزین دارای چهار جایگاه کوئوردیناسیون است که به‌طور محکم به یون نیکل متصل می‌گردد. باردار شدن رزین با نیکل باعث می‌شود دو تا از شش جایگاه کوئوردیناسیون یون آزاد بماند که این سایت‌ها می‌توانند با حلقه‌های ایمیدازول در زنجیره‌های جانبی زیر واحدهای متوالی هیستیدینی در زنجیره پلی‌پپتیدی میانکنش محکمی دهند. حداقل شش باقی‌مانده هیستیدین مورد نیاز است تا میل ترکیبی لازم برای این اتصال فراهم گردد و پروتئین برچسب‌دار به‌طور محکم به ستون متصل شود و در نهایت پروتئین‌های مورد نظر با استفاده از ایمیدازول که با پل هیستیدینی برای چسبیدن به نیکل ستون رقابت می‌کند، جدا شوند. در این پژوهش از تکرار سه تایی M2e برای تهیه کایمر استفاده شد، زیرا در مطالعات فراوانی نشان داده شده است که به‌کارگیری کپی‌های متعدد M2e، موجب ایمنی‌زایی بهتر می‌شود، ولی این افزایش به‌صورت خطی نمی‌باشد، یعنی لزوماً کپی‌های زیاد از توالی M2e، موجب حفاظت بخشی بیش‌تر نمی‌شود؛ چنان‌چه

پروتئین‌هایی نظیر TLR5 فلاژلین سالمونلا، و ادجوانت‌هایی نظیر CTA1-DD،CPG-ODN و HSP مایکوباکتریوم توبرکلوزیس ترکیب و ایمنی‌زایی آن ارزیابی شده است. در ایران، ابراهیمی و همکاران در سال ۲۰۱۰، پپتید M2e ویروس آنفلوانزا H9N2 را به HSP70 باکتری مایکوباکتریوم توبرکلوزیس متصل کرده و آن را در وکتور بیانی pPICZαA کلون و پروتئین مربوطه را در سلول‌های مخمر *Pichia Pastoris* KM71H بیان کردند. در تمامی این مطالعات، سطح بالایی از تحریک سیستم ایمنی توسط پروتئین M2e فیوز شده به سایر پروتئین‌ها گزارش شده است (۲۲-۱۷). هم‌چنین با توجه به اهمیت HA2 در تحریک سیستم ایمنی علیه ویروس آنفلوانزا، می‌توان از این پپتید به‌عنوان حامل جهت تقویت ایمنی‌زایی 3M2e استفاده کرد که خود دارای توالی نوکلئوتیدی است که در تمامی سویه‌های آنفلوانزا A به میزان زیادی ثابت است. با وجود تغییرات آنتی‌ژنی پی در پی در پی در HA، اپی‌توپ‌هایی از آن در نژادهای مختلف ویروس مشترک هستند که تعداد این اپی‌توپ‌ها در HA2 نسبت به HA1 بیش‌تر است و در نتیجه این قسمت می‌تواند القاگر ایمنی ذاتی علیه تحت تیپ‌های گوناگون ویروس باشد (۲۳). آنتی‌بادی‌هایی که زیر واحد HA2 را هدف قرار می‌دهند، می‌توانند حفاظت گسترده را علیه عفونت فصلی و پاندمیک، تحت تیپ‌های خاص و یا تحت تیپ‌های مختلف ویروس آنفلوانزای نوع A ایجاد نمایند. این کار از طریق ممانعت از فعالیت ادغام HA2 انجام می‌پذیرد و کاندید امیدبخشی برای آماده‌سازی واکنش بر مبنای HA2 می‌باشد (۲۴، ۲۵). صادقی و همکاران در سال ۲۰۱۵، افزایش ایمنی‌زایی HA2 را در کنار پروتئین شوک حرارتی لیسمانیا ماژور مطالعه نمودند. در همان سال، مقدس‌زاده و همکاران یک کپی از توالی M2e ویروس آنفلوانزا را به فرم کایمر متصل به HA2 در باکتری *E. coli* بیان کردند. هم‌چنین شکوهی و همکاران در سال ۲۰۱۵، ایمنی‌زایی توالی سه تایی M2e ویروس آنفلوانزا را در

تولید واکسن زیر واحدی حفاظت بخش در برابر طیف وسیعی از ویروس های آنفلوانزا باشد.

سپاسگزاری

این مقاله حاصل پایان نامه دانشجوی کارشناسی ارشد ژنتیک می باشد و با پشتیبانی طرح مصوب انستیتو پاستور ایران به شماره ۷۵۹ اجرا شده است.

در آزمایشات انجام شده نیز نشان داده شده است که میزان حفاظت بخشی با تعداد ۱ کپی، صفر درصد، برای کپی های ۶،۹ و ۱۲ تا ۱۲/۵ درصد و برای کپی های سه تا ۳۷/۵ درصد می باشد (۲۷).

در کارهای بعدی و حذف توکسیک های احتمالی ایمنی زایی، این پروتئین تخلیص شده در مطالعات حیوانی مورد بررسی واقع خواهد شد تا گامی به سوی

References

1. Staneková Z, Varečková E. Conserved epitopes of influenza A virus inducing protective immunity and their prospects for universal vaccine development. *Virology J* 2010; 7: 351.
2. Skehel JJ, Wiley DC. Receptor binding and membrane fusion in virus entry. *The influenza hemagglutinin*. *Annu Rev Biochem* 2000; 69: 531-569.
3. Ward AC. Virulence of influenza A virus for mouse lung. *Virus Genes*. 1997; 14(3): 187-194.
4. Gerhard W, Mozdzanowska K, Zharikova D. Prospects for universal influenza virus vaccine. *Emerg Infect Dis* 2006; 12(4):
5. Gocník M, Fislová T, Sládková T, Mucha V, Kostolanský F, Varečková E. Antibodies specific to the HA2 glycopolyptide of influenza A virus hemagglutinin with fusion-inhibition activity contribute to the protection of mice against lethal infection. *J Gen Virol* 2007; 88(pt 3): 951-952: 569-574.
6. Gocník M, Fislová T, Mucha V, Sládková T, Russ G, Kostolanský F, Varečková E. Antibodies induced by the HA2 glycopolyptide of influenza virus hemagglutinin improve recovery from influenza A virus infection. *J Gen Virol* 2008; 89(pt 4): 958-967.
7. Graves PN, Schulman JL, Young JF, Palese P. Preparation of influenza virus subviral particles lacking the HA1 subunit of hemagglutinin unmasking of cross-reactive HA2 determinants. *Virology* 1983; 126(1): 106-116.
8. Nobusawa E, Aoyama T, Kato H, Suzuki Y, Tateno Y, Nakajima K. Comparison of complete amino acid sequences and receptor-binding properties among 13 serotypes of hemagglutinins of influenza A viruses. *Virology* 1991; 182(2): 475-485.
9. Okuno Y, Isegawa Y, Sasao F, Ueda S. A common neutralizing epitope conserved between the hemagglutinins of influenza A virus H1 and H2 strains. *J Virol* 1993; 67(5): 2552-2558.
10. Worch, R. Structural biology of the influenza virus fusion peptide. *Acta Biochim Pol* 2014; 61(3): 421-426.
11. Okuno Y, Matsumoto K, Isegawa Y, Ueda S. Protection against the mouse adapted A/FM/1/47 strain of influenza A virus in mice by a monoclonal antibody with cross-neutralizing activity among H1 and H2 strains. *J Virol* 1994; 68(1): 517-520.
12. Schnell JR, Chou JJ. Structure and mechanism of the M2 proton channel of

- influenza A virus. *Nature* 2008; 451(7178): 591-595.
13. Feng J, Zhang M, Mozdzanowska K, Zharikova D, Hoff H, Wunner W et al. Influenza A virus infection engenders a poor antibody responses against the ectodomain of matrix protein 2. *Virology* 2006; 3: 102.
 14. Neirynek S, Deroo T, Saelens X, Vanlandschoot P, Jou WM, Fiers W. A universal influenza A vaccine based on the extracellular domain of the M2 protein. *Nat Med* 1999; 5(10): 1157-1163.
 15. Laemmli UK. Cleavage of structural proteins during the assembly of the head of bacteriophage T4. *Nature* 1970; 227(5259): 680-685.
 16. Huleatt JW, Nakaar V, Desai P, Huang Y, Hewitt D, Jacobs A et al. Potent immunogenicity and efficacy of a universal influenza vaccine candidate comprising a recombinant fusion protein linking influenza M2e to the TLR5 ligand flagellin. *Vaccine* 2008; 26(2): 201-214.
 17. Ebrahimi SM, Tebianian M, Aghaiypour Kh, Nili, Ali Mirjalili H. Prokaryotic expression and characterization of avian influenza A virus M2 gene as a candidate for universal recombinant vaccine against influenza A subtypes; specially H5N1 and H9N2. *Mol Biol Rep* 2010; 37(6): 2909-2914.
 18. Hovden Arnt-Ove. The effect of influenza virus vaccine formulation. Thesis for the degree Philosophiae Doctor (PhD) at the University of Bergen. ISBN: 82-308-0075-8. 2008.
 19. Wu F, Yuan XY, Li J, Chen YH. The co-administration of CpG-ODN influenced protective activity of influenza M2e vaccine. *Vaccine* 2003; 32: 4320-4324.
 20. Eliasson DG, El Bakkourib K, Schon K, Ramne A, Festjens E, Löwenadler B, et al. CTA1-M2e-DD: A novel mucosal adjuvant targeted influenza. *Vaccine* 2008; 26(9): 1243-1252.
 21. Ebrahimi SM, Tebianian M, Toghiani H, Memarnejadian A, Attaran HR. Cloning, expression and purification of the influenza A (H9N2) virus M2e antigen and truncated Mycobacterium tuberculosis HSP70 as a fusion protein in *Pichia pastoris*. *Protein Expr Purif* 2010; 70(1): 7-12.
 22. Dai J, Pei D, Wang B, Kuang Y, Ren L, Cao K. A novel DNA vaccine expressing the Ag85A-HA2 fusion protein provides protection against influenza A virus and *Staphylococcus aureus*. *Virology J* 2013; 10: 40.
 23. Lambert LC, Fauci AS. Influenza Vaccines for the Future. *N Engl J M* 2010; 363(21): 2036-2044.
 24. GocnK M, Fislova T, Mucha V, Sla.dkova T, Russ G, Kostolansky F, et al. Antibodies induced by the HA2 glycopolyptide of influenza virus haemagglutinin improve recovery from influenza A virus infection. *J Gen Virol* 2008; 89(pt 4): 958-967.
 25. Sadeghi Neshat S, Farahmand B, Kianmehr Z, Zamani S, Saleh M, Fotouhi F. Immunogenesis Enhancement of Influenza Virus Stalk Domain Using Leishmania Major Heat Shock Protein, One Step Closer to Universal Vaccine. *Journal of Isfahan Medical School* 2015; 33(349): 1-12.
 26. Moghadaszadeh, Golchin M, Tavakkoli H, Ghanbarpour R. Cloning, expression and purification of M2e-HA2 from Influenza A virus in *Escherichia coli*. *Online Journal of Veterinary Research* 2015; 19(2): 124-129.

-
27. Zhang X, Liu M, Liu C, Du J, Shi W, Sun E, et al. Vaccination with Different M2e Epitope Densities Confers Partial Protection against H5N1 Influenza A Virus Challenge in Chickens. *Intervirology* 2011; 54(5): 290-299.
28. Shokouhi H, Zolfaghari M, Farahmand B, Tabatabaeean M, Taheri N and Fotouhi F. Immunological assessment of three tandemrepeat of influenza virus M2 extracellular domain with adjuvant in Balb/c mice. *Arak Medical University Journal* 2015; In Press.
29. Deng L, Cho KJ, Fiers W and Saelens X. M2e-Based Universal Influenza A Vaccines. *Vaccines* 2015; 3(1): 105-136.